

Sekvencioniran genom Coronavirusa

Autor Doc
Saturday, 15 March 2003

je sekvencioniran genom Coronavirusa za kojeg se smatra da uzrokuje SARS (Severe Acute Respiratory Syndrome).
Ėetiri grupe znanstvenika, svi iz Kanade, udružilo se s ciljem da otkriju genom Coronavirusa.
je sekvencioniran genom Coronavirusa za kojeg se smatra da uzrokuje SARS (Severe Acute Respiratory Syndrome).
Ėetiri grupe znanstvenika, svi iz Kanade, udružilo se s ciljem da otkriju genom Coronavirusa. Složne i marljive ekipe su uspjele u fantastičnom vremenu sekvencionirati svih 29,751-baza parova genoma Corona virusa poznatog još i kao Tor2 izolat. Utvrđena sekvenca, slijed parova baza, je pokazala da je otkriveni Coronavirus tek neznatno sličan drugim poznatim coronavirusima, uključujući i dva humana coronavirusa, HCoV-OC43 i HCoV-229E. Filogenetska analiza pretpostavljenih virusnih bjelančevina pokazala je da virus ni približno ne sliči niti jednoj od dosad poznate tri skupine coronavirusa. O važnosti samog otkrića govori već i sama činjenica da je njihovo otkriće u rekordnom vremenu objavljeno u časopisu Science. Koliko će ovo otkriće biti od pomoći? Kao prvo ovaj je uspjeh kanadskih znanstvenika otvoriti irom vrata bržem pronalaženju odgovarajuće terapije (uključujući proizvodnju neutralizirajućih protutijela), bržoj dijagnostici SARSa ljudi (koristeći PCR i imunološke testove), te isto tako pomći otkrivanju epitopa za razvoj potencijalne vakcine.